
Folha 1: Conceitos Básicos do R - Soluções

Vetores e Funções

1. O R possui vários conjuntos de dados que vêm incluídos em diferentes *packages*. Um desses *packages* é o *datasets* que oferece o conjunto de dados *women*.

(a) Comece por carregar a *package* *datasets* com o comando: `library(datasets)`.

```
library(datasets)
```

(b) Veja o conteúdo do conjunto de dados *women*, escrevendo *women* na consola.

```
women

##      height weight
## 1      58    115
## 2      59    117
## 3      60    120
## 4      61    123
## 5      62    126
## 6      63    129
## 7      64    132
## 8      65    135
## 9      66    139
## 10     67    142
## 11     68    146
## 12     69    150
## 13     70    154
## 14     71    159
## 15     72    164
```

(c) Para saber a que se refere este conjunto dados, procure *women* na caixa de ajuda do RStudio.
Em alternativa, pode executar o comando `help(women)` na consola.

(d) Crie um vetor com a informação dos pesos executando o comando `pesos <- women[,2]`.

```
pesos <- women[,2]
```

(e) Sobre o vetor *pesos* obtenha:

- a média;

```
mean(pesos)

## [1] 136.7333
```

- os pesos superiores *130lb*;

```
pesos[pesos > 130]  
## [1] 132 135 139 142 146 150 154 159 164
```

- os pesos superiores à média;

```
pesos[pesos > mean(pesos)]  
## [1] 139 142 146 150 154 159 164
```

- o número de mulheres com peso superior à média;

```
length(pesos[pesos > mean(pesos)])  
## [1] 7
```

(f) Altere o vetor `pesos` de forma a que os pesos inferiores a $130lb$ seja reduzido em $5lb$.

```
pesos[pesos < 130] <- pesos[pesos < 130] - 5  
pesos  
  
## [1] 110 112 115 118 121 124 132 135 139 142 146 150 154 159 164
```

(g) Qual o resultado do comando `range(pesos)` ?

```
range(pesos)  
  
## [1] 110 164
```

(h) Sabendo que $1lb = 0.453592kg$, escreva uma função `lb2kg` que converta um peso em lb para kg .

```
lb2kg <- function(p) p*0.453592
```

(i) Teste a sua função com os seguintes comandos: `lb2kg(100)` e `lb2kg("100")`. O que acontece?

```
lb2kg(100)  
  
## [1] 45.3592  
  
lb2kg("100")  
  
## Error in p * 0.453592: non-numeric argument to binary operator
```

(j) Aplique a sua função ao vetor `pesos`.

```
lb2kg(pesos)  
  
## [1] 49.89512 50.80230 52.16308 53.52386 54.88463 56.24541 59.87414  
## [8] 61.23492 63.04929 64.41006 66.22443 68.03880 69.85317 72.12113  
## [15] 74.38909
```

(k) Altere a sua função para que o peso em kg seja arredondado a um valor inteiro.

```
lb2kg <- function(p) round(p*0.453592)  
lb2kg(pesos)  
  
## [1] 50 51 52 54 55 56 60 61 63 64 66 68 70 72 74
```

Data Frames

2. Aceda ao conteúdo do conjunto de dados Pima.tr disponível na package MASS

```
library(MASS)
```

Sobre estes dados responda às seguintes questões.

- (a) Que informação está representada neste conjunto de dados?

```
help(Pima.tr)
```

- (b) Quais são as mulheres identificadas como diabéticas?

```
subset(Pima.tr,type == "Yes")
```

- (c) Qual é a percentagem de mulheres diabéticas? (Sugestão: use a função nrow().)

```
nrow(subset(Pima.tr,type == "Yes"))/nrow(Pima.tr)
```

```
## [1] 0.34
```

- (d) Quais são as mulheres diabéticas e com idade inferior a 40?

```
subset(Pima.tr,type == "Yes" & age < 40)
```

- (e) Qual é a concentração de glucose e o IMC (bmi) das mulheres com um IMC normal, isto é no intervalo $[19.1, 25.8]$?

```
subset(Pima.tr,bmi > 19.1 & bmi <= 25.8,c(glu,bmi))
```

- (f) Qual é a concentração de glucose e o IMC (bmi) das mulheres com um IMC abaixo ou acima do peso normal?

```
subset(Pima.tr,!bmi > 19.1 & bmi <= 25.8,c(glu,bmi))
```

- (g) Crie uma função que, dada uma idade, devolve o conjunto de mulheres cuja idade é superior à indicada. Por omissão, a idade dada deve ser 40.

```
procIdade <- function(i=40) {  
  subset(Pima.tr,age > i)  
}  
procIdade(60)  
  
##      npreg  glu  bp  skin   bmi   ped  age type  
## 9       3 142 80    15 32.4 0.200  63   No  
## 80      12 121 78    17 26.5 0.259  62   No  
## 157     2 197 70    99 34.7 0.575  62  Yes
```

Funções e Manipulação Básica de Dados

3. Considerando o dataset women da pergunta 1, Crie um ficheiro em R com o nome 'IMC.R' com a instrução library(datasets). Adicione ao ficheiro o conteúdo solicitado abaixo. Sempre que precise de executar o ficheiro deve escrever na consola do R source('IMC.R') ou então carregar no botão Source e Run.

- (a) Crie uma função lb2kg que dado um peso em lb devolve a peso em kg arredondado a um inteiro ($1lb = 0.453592kg$).

```
lb2kg <- function(p) round(p*0.453592)
```

- (b) Crie uma função `in2m` que dado uma altura em *inches* devolve a altura em *metros* arredondada a 2 casas decimais ($1\text{in} = 0.0254\text{m}$).

```
in2m <- function(a) round(a*0.0254,2)
```

- (c) A partir do *dataset* `women` e das duas funções acima, crie uma nova matriz `m` com a mesma informação contida em `women` mas com métricas diferentes.

```
m <- matrix(c(in2m(women[,1]),  
              lb2kg(women[,2])),ncol=2)  
  
m  
  
##      [,1] [,2]  
## [1,] 1.47  52  
## [2,] 1.50  53  
## [3,] 1.52  54  
## [4,] 1.55  56  
## [5,] 1.57  57  
## [6,] 1.60  59  
## [7,] 1.63  60  
## [8,] 1.65  61  
## [9,] 1.68  63  
## [10,] 1.70  64  
## [11,] 1.73  66  
## [12,] 1.75  68  
## [13,] 1.78  70  
## [14,] 1.80  72  
## [15,] 1.83  74
```

- (d) Calcule o valor do IMC ($\text{peso}/\text{altura}^2$), arredondado a uma casa decimal, para cada uma das linhas da matriz.

```
round(m[,2]/m[,1]^2,1)  
  
##  [1] 24.1 23.6 23.4 23.3 23.1 23.0 22.6 22.4 22.3 22.1 22.1 22.2 22.1 22.2  
## [15] 22.1
```

- (e) Utilize a função `cbind()` para criar uma nova matriz `m1` que resulta de anexar à matriz `m` uma 3a coluna com o cálculo anterior.

```
m1 <- cbind(m,round(m[,2]/m[,1]^2,1))  
  
m1  
  
##      [,1] [,2] [,3]  
## [1,] 1.47  52 24.1  
## [2,] 1.50  53 23.6  
## [3,] 1.52  54 23.4  
## [4,] 1.55  56 23.3  
## [5,] 1.57  57 23.1  
## [6,] 1.60  59 23.0  
## [7,] 1.63  60 22.6  
## [8,] 1.65  61 22.4  
## [9,] 1.68  63 22.3  
## [10,] 1.70  64 22.1  
## [11,] 1.73  66 22.1  
## [12,] 1.75  68 22.2  
## [13,] 1.78  70 22.1  
## [14,] 1.80  72 22.2  
## [15,] 1.83  74 22.1
```

- (f) Crie uma função calcIMC que dado um peso em kg e uma altura em metros, calcula o valor de IMC e retorna uma resposta de acordo com o que é apresentado na tabela abaixo. Teste a sua função na linha de comandos.

IMC nas Mulheres	Condição
< 19.1	pesoAbaixo
19.1 – 25.8	pesoNormal
> 25.8	pesoAcima

```
calcIMC <- function(imc) {
  if(imc < 19.1)
    return("pesoAbaixo")
  else
    if(imc < 25.8) # & imc >= 19.1
      return("pesoNormal")
    else # imc >= 25.8
      return("pesoAcima")
}
calcIMC(22)

## [1] "pesoNormal"
```

- (g) Usando as funções cbind(), sapply(), crie uma matriz m2 que resulta de anexar a m1 uma quarta coluna com a informação do peso definida pela função da alínea anterior.

```
m2 <- cbind(m1,sapply(m1[,3],calcIMC))
```

- (h) O que acontece ao conteúdo da matriz m2?

```
m2

##      [,1]   [,2]   [,3]   [,4]
## [1,] "1.47" "52" "24.1" "pesoNormal"
## [2,] "1.5"  "53" "23.6" "pesoNormal"
## [3,] "1.52" "54" "23.4" "pesoNormal"
## [4,] "1.55" "56" "23.3" "pesoNormal"
## [5,] "1.57" "57" "23.1" "pesoNormal"
## [6,] "1.6"  "59" "23"  "pesoNormal"
## [7,] "1.63" "60" "22.6" "pesoNormal"
## [8,] "1.65" "61" "22.4" "pesoNormal"
## [9,] "1.68" "63" "22.3" "pesoNormal"
## [10,] "1.7"  "64" "22.1" "pesoNormal"
## [11,] "1.73" "66" "22.1" "pesoNormal"
## [12,] "1.75" "68" "22.2" "pesoNormal"
## [13,] "1.78" "70" "22.1" "pesoNormal"
## [14,] "1.8"  "72" "22.2" "pesoNormal"
## [15,] "1.83" "74" "22.1" "pesoNormal"
```

- (i) A partir da matriz m1, crie um data frame df com as 4 colunas seguintes: altura, peso, imc e info (com o resultado da função calcIMC).

```
df <- data.frame(altura=m1[,1],peso=m1[,2],imc=m1[,3],info=sapply(m1[,3],calcIMC))
df

##   altura peso   imc       info
## 1     1.47   52 24.1 pesoNormal
## 2     1.50   53 23.6 pesoNormal
## 3     1.52   54 23.4 pesoNormal
```

```

## 4    1.55   56 23.3 pesoNormal
## 5    1.57   57 23.1 pesoNormal
## 6    1.60   59 23.0 pesoNormal
## 7    1.63   60 22.6 pesoNormal
## 8    1.65   61 22.4 pesoNormal
## 9    1.68   63 22.3 pesoNormal
## 10   1.70   64 22.1 pesoNormal
## 11   1.73   66 22.1 pesoNormal
## 12   1.75   68 22.2 pesoNormal
## 13   1.78   70 22.1 pesoNormal
## 14   1.80   72 22.2 pesoNormal
## 15   1.83   74 22.1 pesoNormal

```

- (j) Execute a função `summary()` sobre a matriz `m2` e o data frame `df`. Qual é a diferença?

```

summary(m2)

##      V1        V2        V3        V4
## 1.47 :1    52 :1    22.1 :4  pesoNormal:15
## 1.5  :1    53 :1    22.2 :2
## 1.52 :1    54 :1    22.3 :1
## 1.55 :1    56 :1    22.4 :1
## 1.57 :1    57 :1    22.6 :1
## 1.6  :1    59 :1    23  :1
## (Other):9 (Other):9 (Other):5

summary(df)

##      altura        peso         imc        info
## Min.   :1.470   Min.   :52.00   Min.   :22.10   pesoNormal:15
## 1st Qu.:1.560   1st Qu.:56.50   1st Qu.:22.15
## Median :1.650   Median :61.00   Median :22.40
## Mean   :1.651   Mean   :61.93   Mean   :22.71
## 3rd Qu.:1.740   3rd Qu.:67.00   3rd Qu.:23.20
## Max.   :1.830   Max.   :74.00   Max.   :24.10

```

- (k) Execute o comando `df$info` e verifique que se trata de um *factor* com apenas uma categoria. Altere essa coluna do data frame de modo a que seja um factor com as 3 categorias possíveis. Atenção: o conteúdo da coluna não deve ser alterado, apenas o conjunto das categorias possíveis.

```

df$info

## [1] pesoNormal pesoNormal pesoNormal pesoNormal pesoNormal
## [7] pesoNormal pesoNormal pesoNormal pesoNormal pesoNormal
## [13] pesoNormal pesoNormal pesoNormal
## Levels: pesoNormal

levels(df$info) <- c("pesoNormal", "pesoAbixo", "pesoAcima")

```

- (l) Execute novamente a função `summary()` sobre o data frame `df`. Qual é a diferença?

```

summary(df)

##      altura        peso         imc        info
## Min.   :1.470   Min.   :52.00   Min.   :22.10   pesoNormal:15
## 1st Qu.:1.560   1st Qu.:56.50   1st Qu.:22.15   pesoAbixo: 0
## Median :1.650   Median :61.00   Median :22.40   pesoAcima : 0
## Mean   :1.651   Mean   :61.93   Mean   :22.71
## 3rd Qu.:1.740   3rd Qu.:67.00   3rd Qu.:23.20
## Max.   :1.830   Max.   :74.00   Max.   :24.10

```

(m) Qual o efeito dos comandos `df[-1,]` e `df[,-ncol(df)]`?

```
df[-1,]

##      altura peso   imc      info
## 2     1.50   53 23.6 pesoNormal
## 3     1.52   54 23.4 pesoNormal
## 4     1.55   56 23.3 pesoNormal
## 5     1.57   57 23.1 pesoNormal
## 6     1.60   59 23.0 pesoNormal
## 7     1.63   60 22.6 pesoNormal
## 8     1.65   61 22.4 pesoNormal
## 9     1.68   63 22.3 pesoNormal
## 10    1.70   64 22.1 pesoNormal
## 11    1.73   66 22.1 pesoNormal
## 12    1.75   68 22.2 pesoNormal
## 13    1.78   70 22.1 pesoNormal
## 14    1.80   72 22.2 pesoNormal
## 15    1.83   74 22.1 pesoNormal

df[,-ncol(df)]
```



```
##      altura peso   imc
## 1     1.47   52 24.1
## 2     1.50   53 23.6
## 3     1.52   54 23.4
## 4     1.55   56 23.3
## 5     1.57   57 23.1
## 6     1.60   59 23.0
## 7     1.63   60 22.6
## 8     1.65   61 22.4
## 9     1.68   63 22.3
## 10    1.70   64 22.1
## 11    1.73   66 22.1
## 12    1.75   68 22.2
## 13    1.78   70 22.1
## 14    1.80   72 22.2
## 15    1.83   74 22.1
```

(n) Adicione ao final do data frame duas linhas: uma com a altura = 1.74 e o peso = 50 e outra com altura = 1.50 e o peso = 74. Para tal, aceda ou índice da linha que está adicionar com `nrow(df) + 1`. Em alternativa, pode também usar a função `rbind()`.

```
df[nrow(df)+1] <- list(1.74,50,round(50/1.74^2,1),calcIMC(round(50/1.74^2,1)))
df[nrow(df)+1] <- list(1.50,74,round(74/1.50^2,1),calcIMC(round(74/1.50^2,1)))
df
```



```
##      altura peso   imc      info
## 1     1.47   52 24.1 pesoNormal
## 2     1.50   53 23.6 pesoNormal
## 3     1.52   54 23.4 pesoNormal
## 4     1.55   56 23.3 pesoNormal
## 5     1.57   57 23.1 pesoNormal
## 6     1.60   59 23.0 pesoNormal
## 7     1.63   60 22.6 pesoNormal
## 8     1.65   61 22.4 pesoNormal
## 9     1.68   63 22.3 pesoNormal
## 10    1.70   64 22.1 pesoNormal
## 11    1.73   66 22.1 pesoNormal
## 12    1.75   68 22.2 pesoNormal
## 13    1.78   70 22.1 pesoNormal
## 14    1.80   72 22.2 pesoNormal
## 15    1.83   74 22.1 pesoNormal
## 16    1.74   50 16.5 pesoAbaixo
## 17    1.50   74 32.9 pesoAcima
```

- (o) Usando uma estratégia semelhante, adicione uma nova coluna ao data frame com a informação do sexo dos indivíduos a que estes dados dizem respeito: "f". Em alternativa, pode também usar a função cbind().

```
df[,ncol(df)+1] <- list(factor(rep("f",nrow(df)),levels=c("f","m")))
colnames(df)[ncol(df)] <- "sexo"
df

##      altura peso     imc      info sexo
## 1    1.47   52 24.1 pesoNormal   f
## 2    1.50   53 23.6 pesoNormal   f
## 3    1.52   54 23.4 pesoNormal   f
## 4    1.55   56 23.3 pesoNormal   f
## 5    1.57   57 23.1 pesoNormal   f
## 6    1.60   59 23.0 pesoNormal   f
## 7    1.63   60 22.6 pesoNormal   f
## 8    1.65   61 22.4 pesoNormal   f
## 9    1.68   63 22.3 pesoNormal   f
## 10   1.70   64 22.1 pesoNormal   f
## 11   1.73   66 22.1 pesoNormal   f
## 12   1.75   68 22.2 pesoNormal   f
## 13   1.78   70 22.1 pesoNormal   f
## 14   1.80   72 22.2 pesoNormal   f
## 15   1.83   74 22.1 pesoNormal   f
## 16   1.74   50 16.5 pesoAbaixo  f
## 17   1.50   74 32.9 pesoAcima   f
```